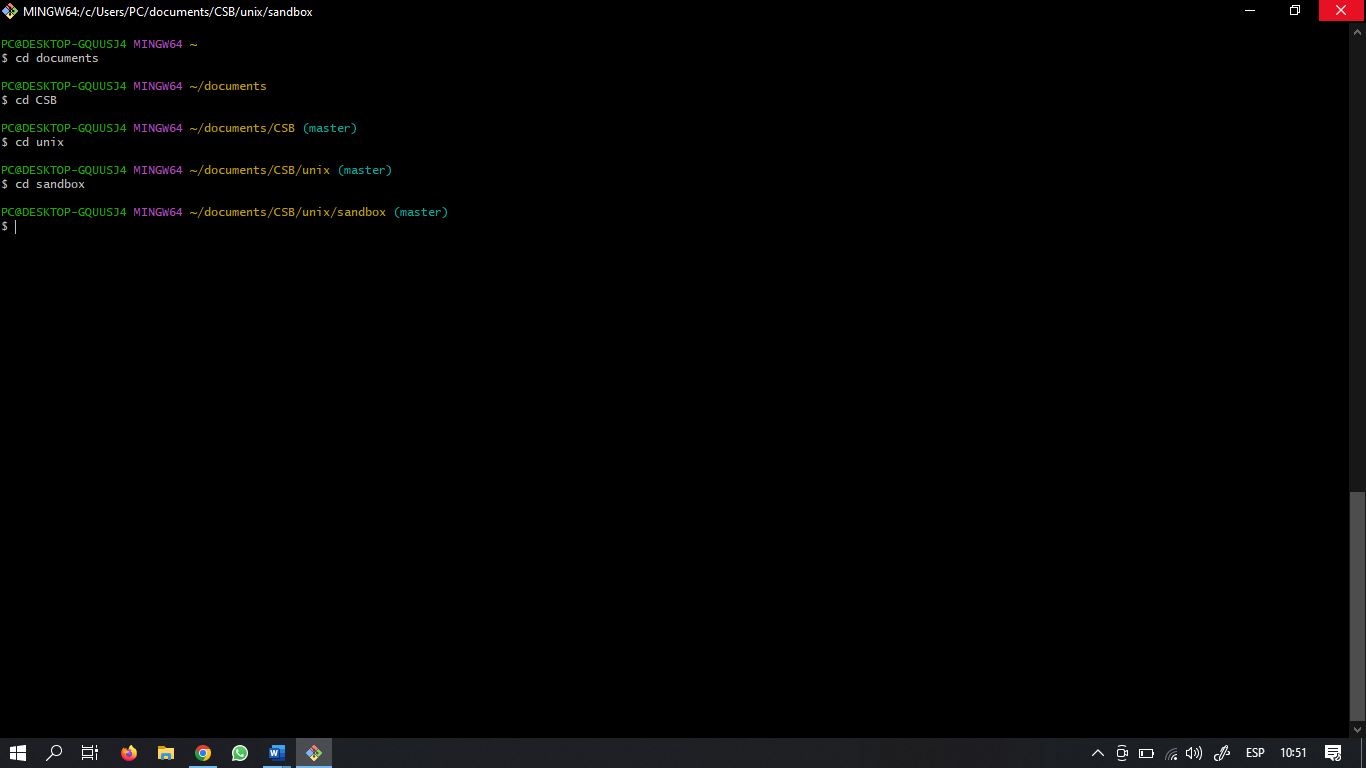
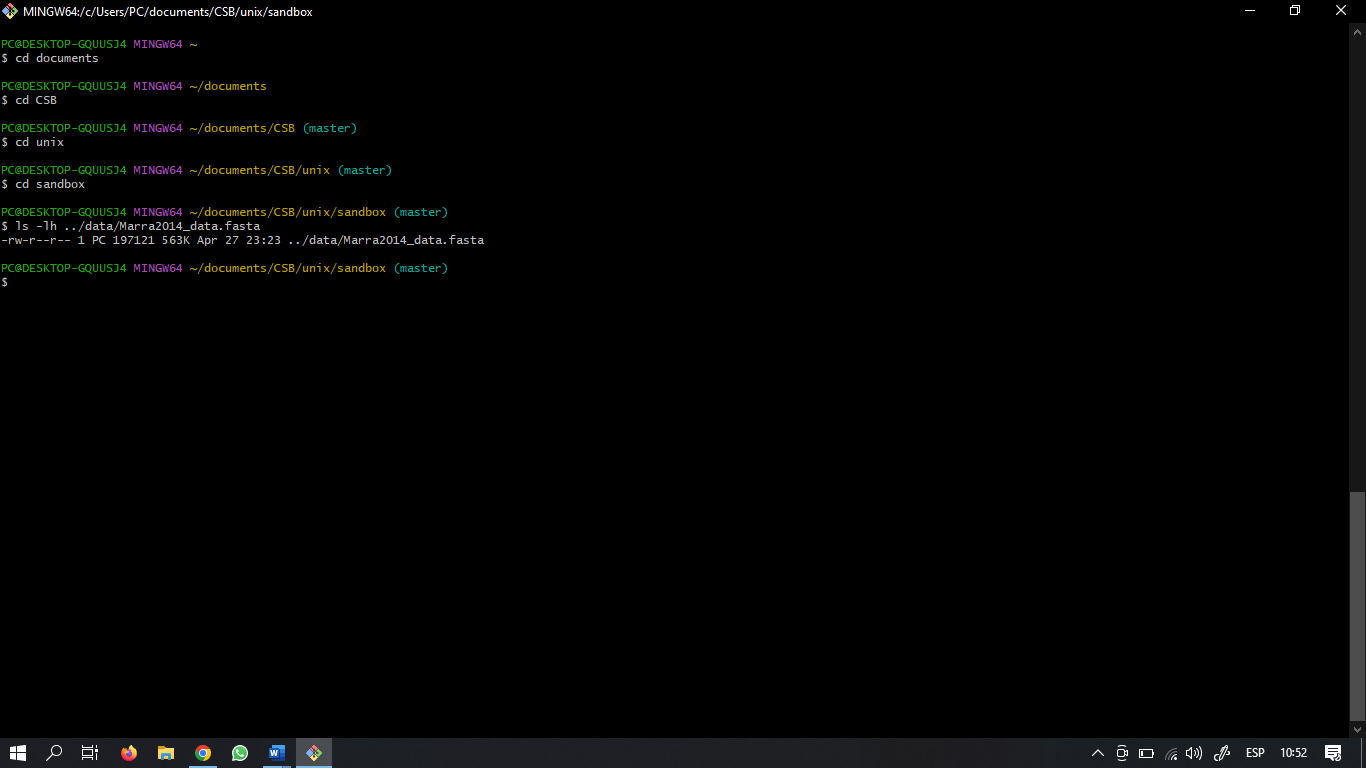
Deber 2 bioinformática

Nombre: Klinton Ochoa

1. 1.10.1
2. Cambie el directorio a CSB/unix/sandbox.

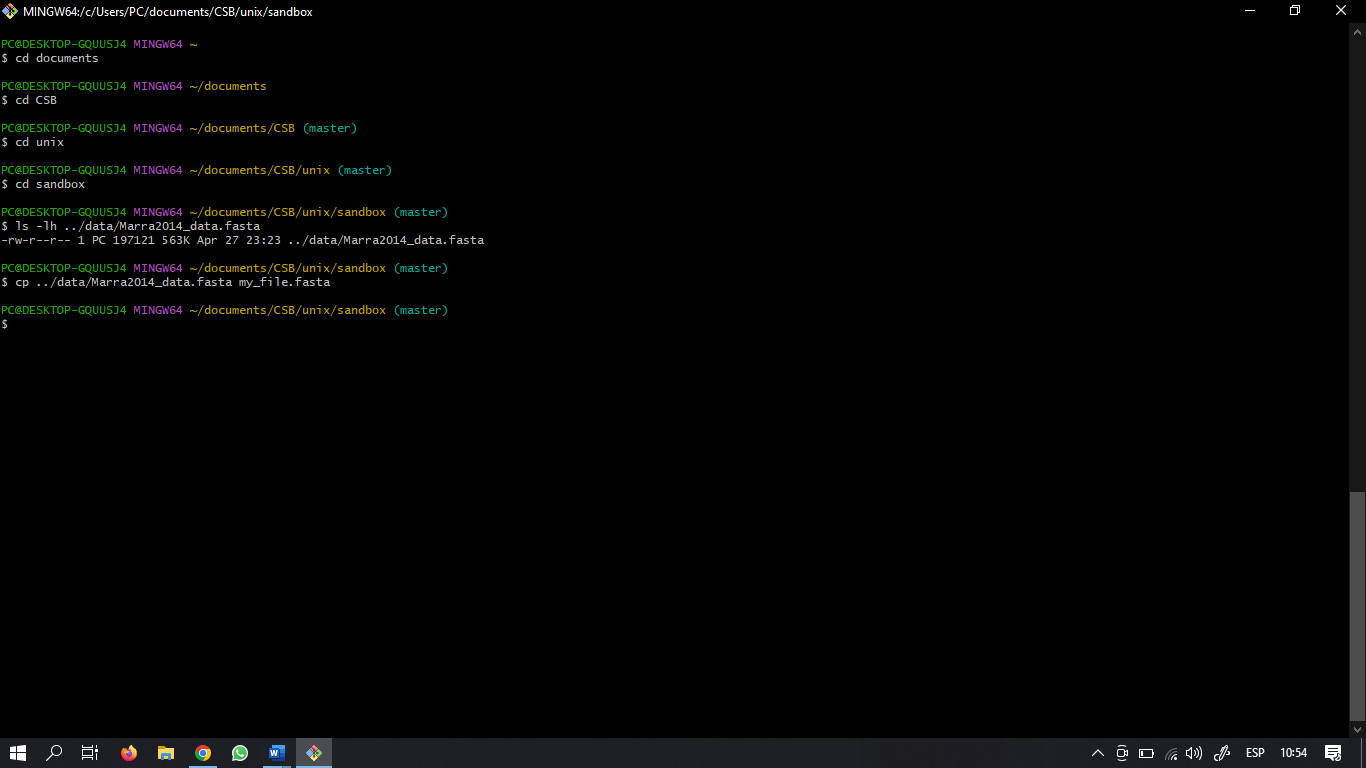


1. ¿Cuál es el tamaño del archivo Marra2014\_data.fasta?

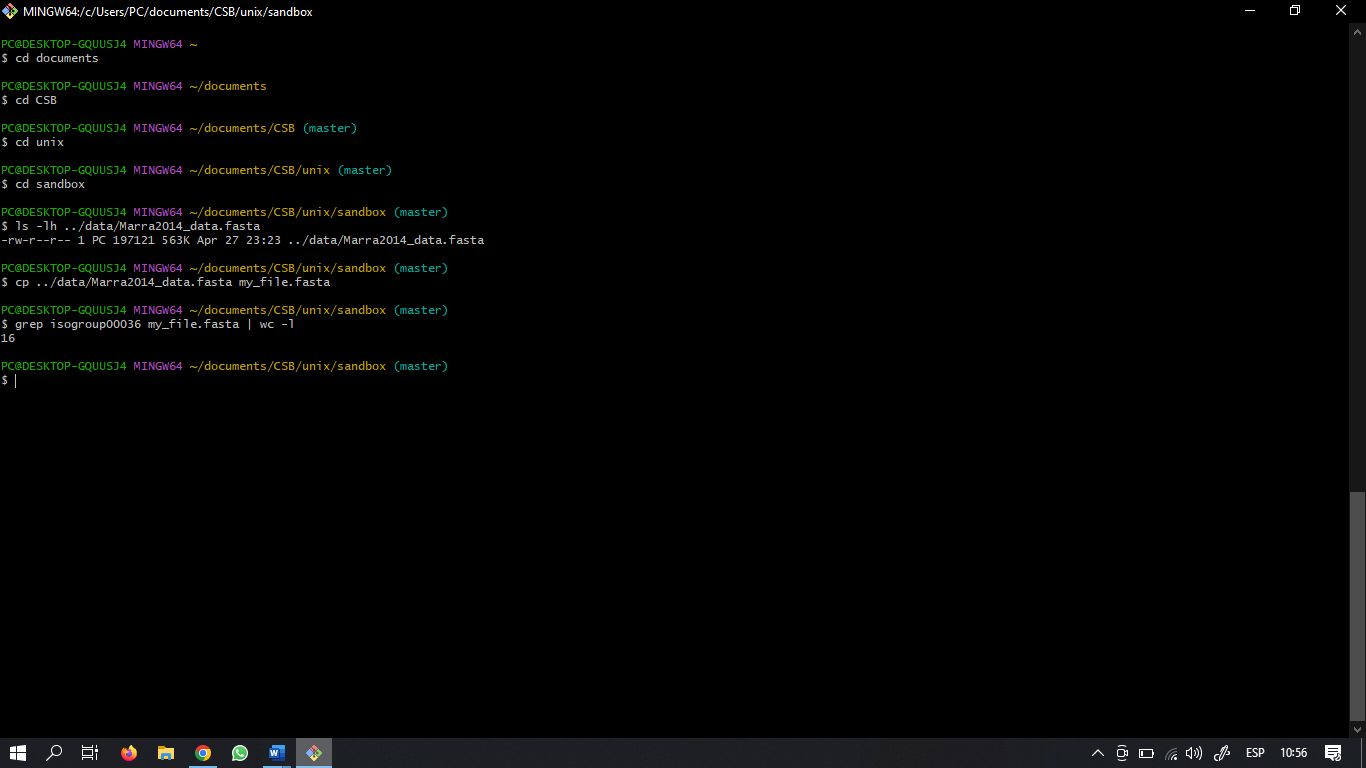


3. Crea una copia de Marra2014\_data.fasta en el sandbox y nómbrala

mi\_archivo.fasta.



4. ¿Cuántos contigs están clasificados como isogrupo00036?



5. Sustituye el delimitador original de "dos espacios" por una coma.

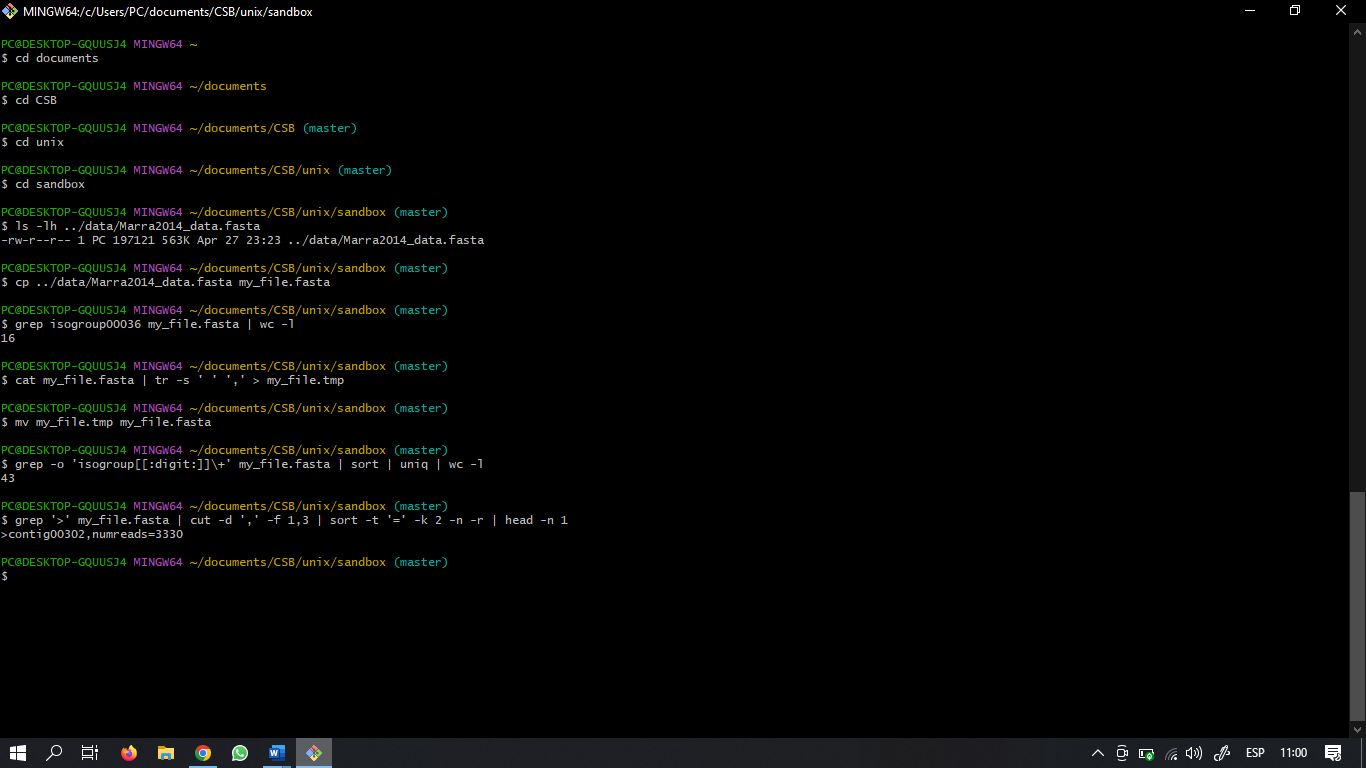


6. ¿Cuántos isogrupos únicos hay en el archivo?

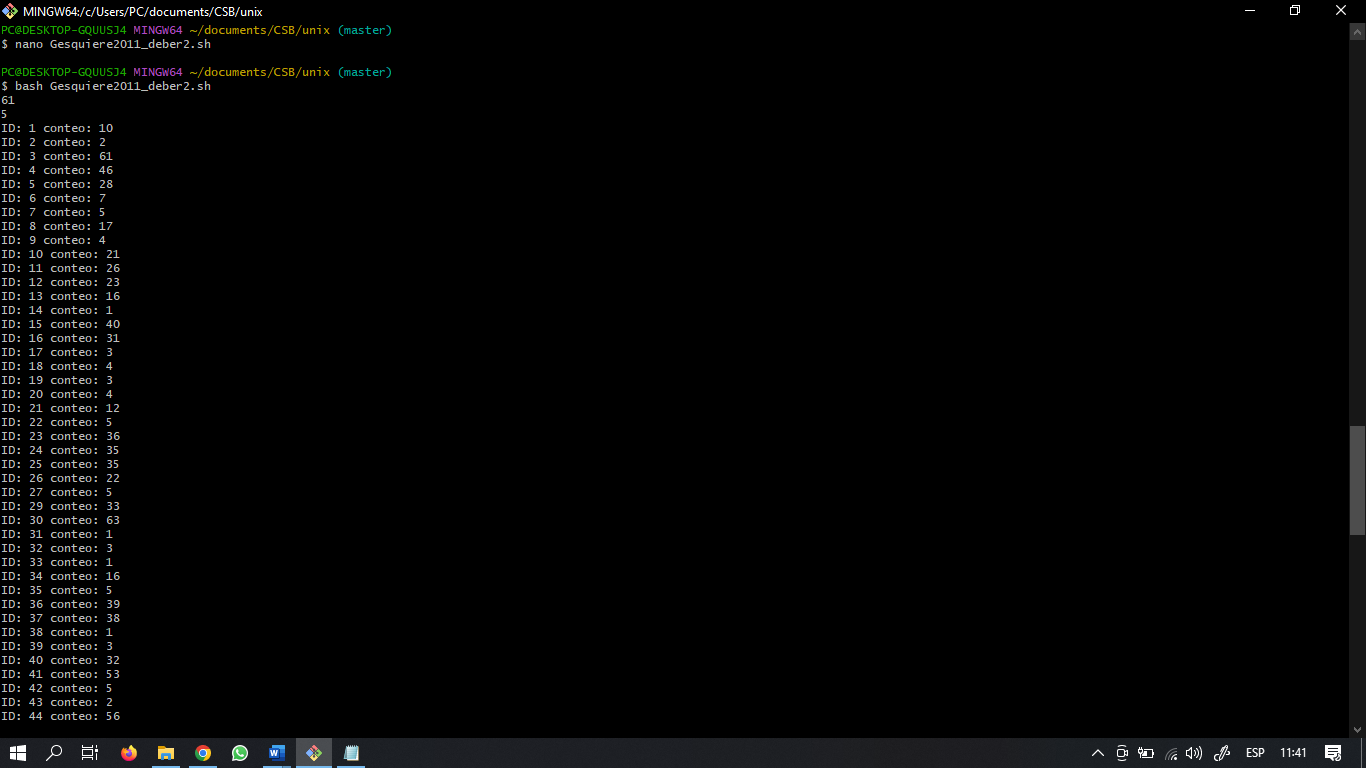


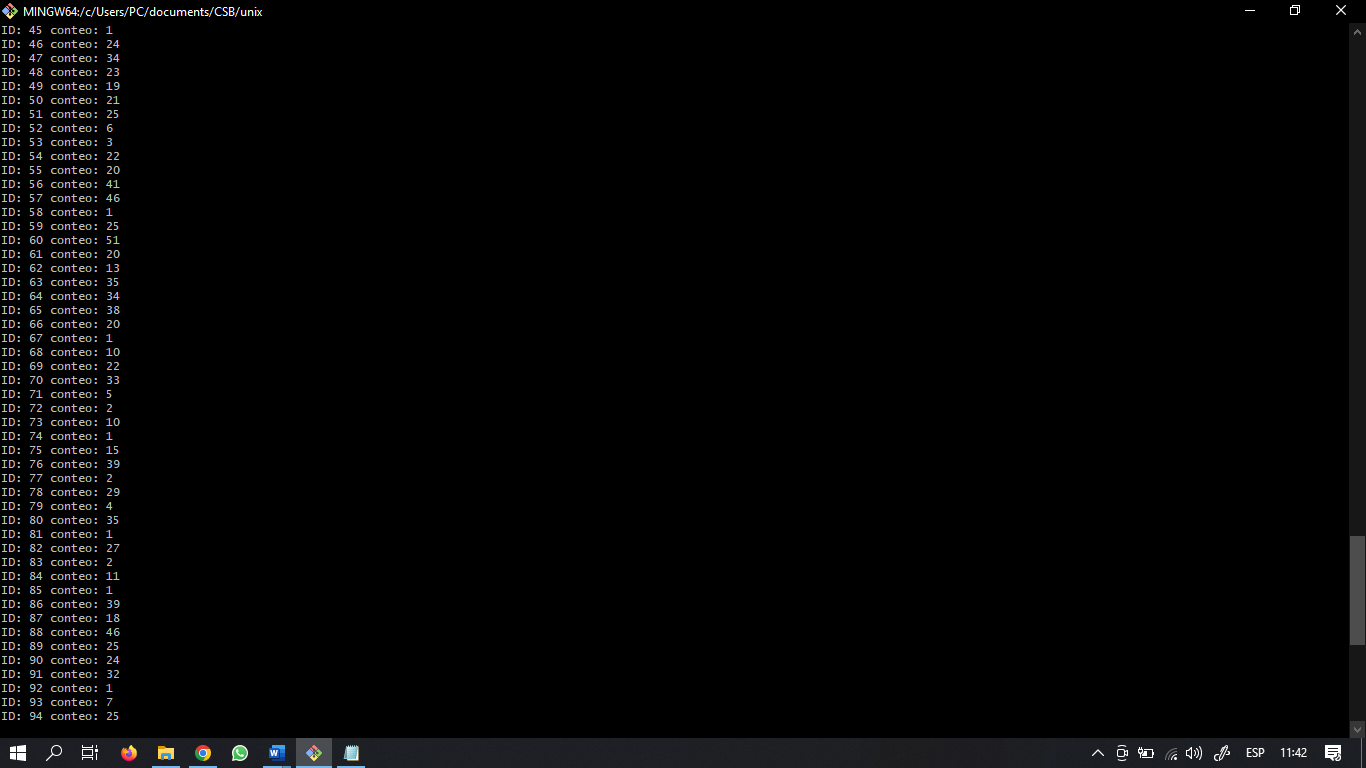
7. ¿Qué contig tiene el mayor número de lecturas (numreads)? ¿Cuántas

lecturas tiene?

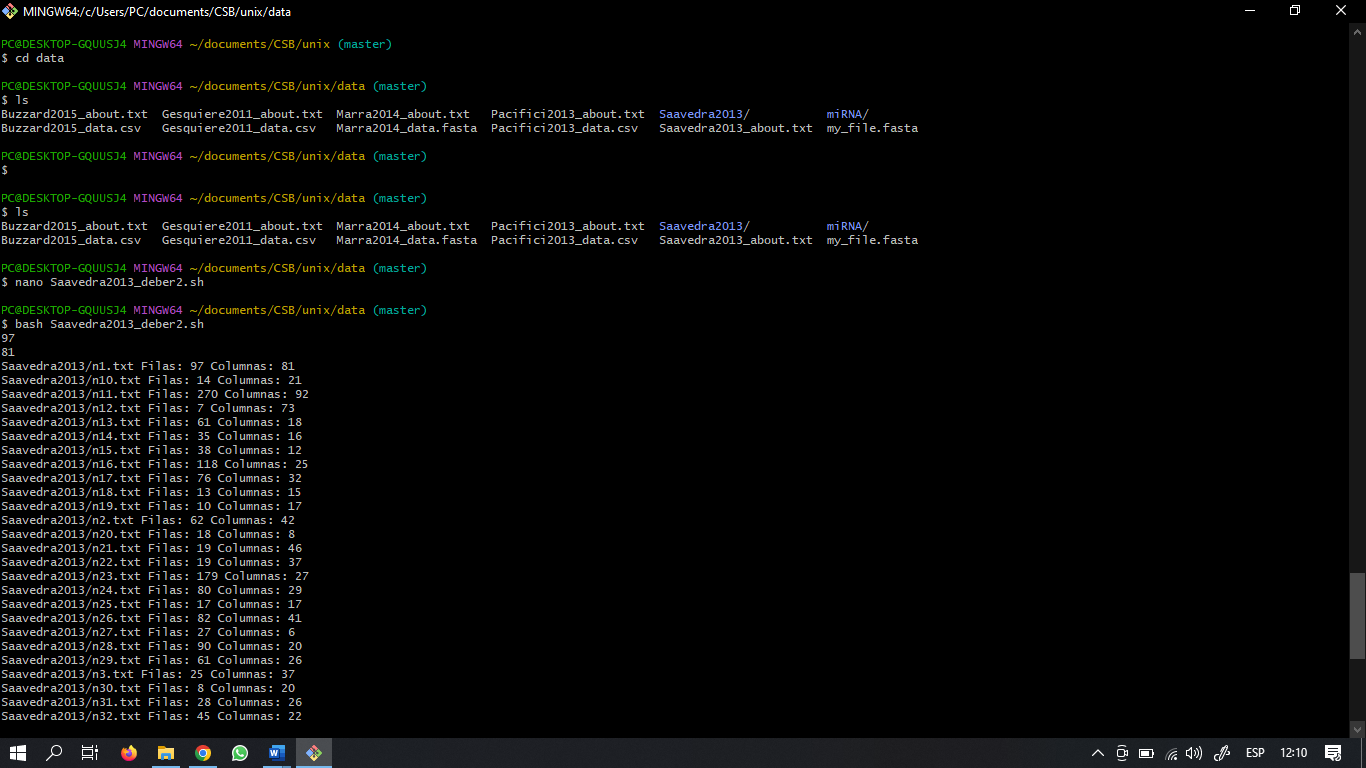


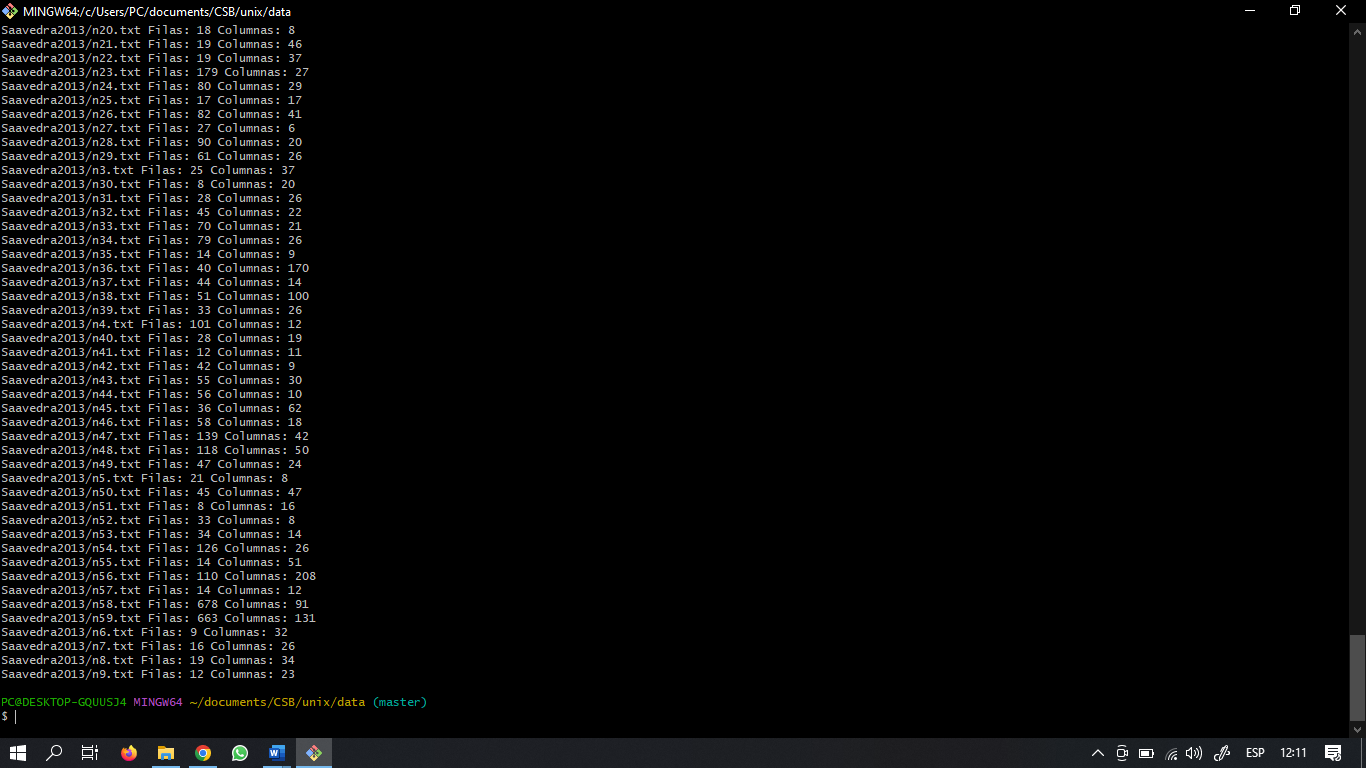
1. 1.10.2





1. 1.10.3





1. 1.10.4

